



FIGURE 1A

SEQ ID NO:15 MEATAAPFSSI--VSSRQNFSSSSIRASSPASLFLSQSIGNVNRKFKSPRSLSVRASS  
SEQ ID NO:02 HEKELAS-----TKPQNGFRIRAAI-----AGAG  
SEQ ID NO:04 MQPPLQAQGANVAAILTVPCSAARRPKRSNQ---PRGCGSVSV---SVSVRASS  
SEQ ID NO:08 -----  
SEQ ID NO:06 -----  
SEQ ID NO:10 MVAA-----TSINAVPCSAGR-PKRRSQ---RRG---AS---TVAVRASG  
SEQ ID NO:12 -----  
SEQ ID NO:14 -----

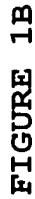
1 60

\*\*\*\*\*  
SEQ ID NO:15 TSDSVVTLDDYGAGNVRNIRNALRHLGFSIKDVQTPGDILNADRLIFPGVGPFAPAMDVL  
SEQ ID NO:02 GGDSVVTLLDYGAGNVRNIRNARTLGFDIKDVQKPEDILNAKRLIFPGVGAFAPAMDVL  
SEQ ID NO:04 GANTV-TLLDYGAGNVRNIRYLGFDIRDVQSPEDIVXAEVVFPVGVGAFGSAMDVX  
SEQ ID NO:08 -----  
SEQ ID NO:06 -----  
SEQ ID NO:10 DASTV-TLLDYGAGNVRNIRHLGFGIRDVRSPEXILAADRLVFPG-----V  
SEQ ID NO:12 -----VTLLDYGAGNVRNIRFLGFDIKDVQTPQDILNASRLVFPVGAFAAAMEVL  
SEQ ID NO:14 -----

61 120

\*\*\*\*\*  
SEQ ID NO:15 NRTGMAEALCKYIENDRPF LGI C LGLQLLFD-S SEQNGPVGKGLGVIPIGVGRFDASAGIR  
SEQ ID NO:02 IRKGLAEALCTYIQNDRPF LGI C LGLQLLFE-S SEENGPIQGLGLIPGRVGRFESSNGLR  
SEQ ID NO:04 TRTGMXNALREYIQRRPF XG- - - - -  
SEQ ID NO:08 -----YPRGTGPF LGI C LGLQLLFGFQ XGXXXRVSGLVISGVXRRFXSSNGLI  
SEQ ID NO:06 -----  
SEQ ID NO:10 -G- AF- - - - -  
SEQ ID NO:12 SKT- - - - -  
SEQ ID NO:14 -----

121 180



181

241

301

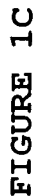
[illegible]



FIGURE 1D

SEQ ID NO:15	*****	*****	*	*****	* ****
SEQ ID NO:02	GIPVIASSGAGTPDHFSEVFEE	KRICRACCRHFP	PERGYQS	QSVKEHLQ	EEERIEVRI
SEQ ID NO:04	NIPVIASSGAGVADHFSEVF	NETNASAA	LAAGIFHR-KEVPI	KAVKEHLL	KEGIEVRL
SEQ ID NO:08	-----	-----	-----	-----	-----
SEQ ID NO:06	TIPVIASSGAGAVQHFSEI	FEKTNASAA	LAAGIFHR-KEVP	ILAVKEHL	VNAGVEVRV
SEQ ID NO:10	-----	-----	-----	-----	-----
SEQ ID NO:12	-----	-----	-----	-----	-----
SEQ ID NO:14	SIPVIASXGAGAPEHFSEV	FYKTNASAA	LAAGIFHR-KEVPI	QSVKEHLL	KEGIEVRI

541 598